allele subtask

Run	TP	FP	FN	Precision	Recall	F beta	Utility Factor	Raw	Max	Normalized
aLRIk1	86	283	246	0.2331	0.2590	0.2454	17.00	1179	5644	0.2089
aLRIk2	83	277	249	0.2306	0.2500	0.2399	17.00	1134	5644	0.2009
aLRIk3	87	310	245	0.2191	0.2620	0.2387	17.00	1169	5644	0.2071

expression subtask

Run	TP	FP	FN	Precision	Recall	F beta	Utility Factor	Raw	Max	Normalized
eLRIk1	12	105	93	0.1026	0.1143	0.1081	64.00	663	6720	0.0987
eLRIk2	12	105	93	0.1026	0.1143	0.1081	64.00	663	6720	0.0987
eLRIk3	13	144	92	0.0828	0.1238	0.0992	64.00	688	6720	0.1024

go subtask

Run	TP	FP	FN	Precision	Recall	F beta	Utility Factor	Raw	Max	Normalized
gLRIk1	53	512	465	0.0938	0.1023	0.0979	11.00	71	5698	0.0125
gLRIk2	53	477	465	0.1000	0.1023	0.1011	11.00	106	5698	0.0186
gLRIk3	60	541	458	0.0998	0.1158	0.1072	11.00	119	5698	0.0209

tumor subtask

Run	TP	FP	FN	Precision	Recall	F beta	Utility Factor	Raw	Max	Normalized
tLRIk1	2	21	18	0.0870	0.1000	0.0930	231.00	441	4620	0.0955
tLRIk2	2	20	18	0.0909	0.1000	0.0952	231.00	442	4620	0.0957
tLRIk3	2	27	18	0.0690	0.1000	0.0816	231.00	435	4620	0.0942